

RELATORI E MODERATORI

M. Ancora - Istituto Zooprofilattico Sperimentale dell'Abruzzo e del Molise "G. Caporale", Teramo
A. Angelucci - DISCAB, Università dell'Aquila
L. Da Prato - Life Technologies
C. Pellegrini - DISCAB, Università dell'Aquila
M. Perilli - DISCAB, Università dell'Aquila
E. Ricevuto - DISCAB, Università dell'Aquila
C. Rinaldi - Life Technologies
N. Rucci - DISCAB, Università dell'Aquila
R. Tanzi - Life Technologies
A. Tessitore - DISCAB, Università dell'Aquila
G. Vianale - DSSC, Università "G. d'Annunzio" di Chieti-Pescara
F. Zazzeroni - DISCAB, Università dell'Aquila e AICC

COMITATO SCIENTIFICO

F. Zazzeroni - DISCAB, Università dell'Aquila e AICC
M. Perilli - DISCAB, Università dell'Aquila
A. Tessitore - DISCAB, Università dell'Aquila
C. Leonetti - Istituto Regina Elena, Roma e AICC
E. Alesse - DISCAB, Università dell'Aquila
E. Ricevuto - DISCAB, Università dell'Aquila
N. Rucci - DISCAB, Università dell'Aquila
A. Angelucci - DISCAB, Università dell'Aquila
L. Cappabianca - DISCAB, Università dell'Aquila
G. Giannini - Dip. Medicina Molecolare, Sapienza, Università di Roma

SEGRETERIA ORGANIZZATIVA

D. Verzella - DISCAB, Università dell'Aquila
M. Fischietti - DISCAB, Università dell'Aquila
C. Bottoni - DISCAB, Università dell'Aquila
A. Sabatini - DISCAB, Università dell'Aquila
A. Gaggiano - DISCAB, Università dell'Aquila
G. Ciccirelli - DISCAB, Università dell'Aquila
D. Vecchiotti - DISCAB, Università dell'Aquila
F. Del Vecchio - DISCAB, Università dell'Aquila

INFORMAZIONI

MODALITÀ DI ISCRIZIONE

La partecipazione al workshop è gratuita. La domanda di partecipazione, scaricabile dal sito <http://discab.univaq.it>, dovrà essere debitamente compilata, firmata ed inviata alla Segreteria Organizzativa via e-mail (discab.eventi@gmail.com) entro il 18 ottobre 2013. Saranno accettate domande di partecipazione fino al raggiungimento della capienza massima dell'aula. Non sono previsti crediti ECM. Per gli studenti iscritti ai Corsi di Laurea attinenti si prevedono crediti formativi di tipo F secondo le disposizioni dei singoli consigli didattici.

ATTESTATI

Al termine della manifestazione, sarà rilasciato un attestato di partecipazione a chi ne avrà fatto richiesta.

Per ogni informazione attinente alla manifestazione, si prega di contattare la Segreteria Organizzativa:

Tel.: 0862 433526; 0862 433518; 0862 433489
e-mail: discab.eventi@gmail.com

EVENTO REALIZZATO CON IL CONTRIBUTO NON CONDIZIONATO DI LIFE TECHNOLOGIES.



COME RAGGIUNGERCI

In auto
Autostrada A24 Roma-Teramo, uscita L'Aquila Ovest. Girare a sinistra e prendere la statale 80 direzione Teramo. Seguire le indicazioni Ospedale Regionale S. Salvatore/Università.

In autobus
Da Roma: fermata a richiesta Hotel Amiternum. Da qui, sul lato Statale 80, autobus #1 o #2U fino a fermata Ospedale Regionale S. Salvatore/Università.

Tutte le provenienze: fermata Terminal Collemaggio. Da qui, autobus #1, #2U, #3 o #4 fino a fermata Ospedale Regionale S. Salvatore/Università.



Associazione Italiana di Colture Cellulari (ONLUS-AICC)
Dipartimento di Scienze Cliniche Applicate e Biotecnologiche (DISCAB)
Università degli Studi di L'Aquila

**1° WORKSHOP
TECNICO-SCIENTIFICO**

**"NEW HIGH
THROUGHPUT
TECHNOLOGIES
IN MOLECULAR
DIAGNOSTICS"**

29 OTTOBRE 2013

**AULA MAGNA, BLOCCO O
COPPITO, L'AQUILA**

**Comitato Organizzatore
Francesca Zazzeroni (DISCAB e AICC),
Mariagrazia Perilli (DISCAB),
Alessandra Tessitore (DISCAB)**

**Siti web:
www.onlus-aicc.org
www.univaq.it
<http://discab.univaq.it>**

PRESENTAZIONE

L'utilizzazione di tecnologie di diagnosi molecolare "high-throughput" riveste un ruolo fondamentale in ambito di ricerca e si sta rivelando di considerevole e crescente impatto a livello clinico.

La caratterizzazione molecolare del genoma, del trascrittoma e del miRNoma fornisce informazioni per la valutazione dei fattori di rischio e della prognosi, per l'ottimizzazione delle strategie terapeutiche e per lo sviluppo di percorsi clinici personalizzati.

La "real-time PCR" si inquadra come un'importante tecnologia per la diagnosi di varie patologie come il cancro o le malattie infettive, nonché per l'identificazione di patogeni virali, batterici o fungini.

L'introduzione di nuove piattaforme, come la "digital PCR", fornisce ulteriori opportunità in tali ambiti.

Il sequenziamento ha reso possibile la decodificazione molecolare di varie patologie, incluso il cancro. La tecnologia "next-generation sequencing" si sta rivelando un metodo di enormi potenzialità, essendo in grado di fornire dati "high-throughput", abbattendo i costi rispetto al metodo tradizionale e consentendo un'accurata caratterizzazione molecolare dell'intero genoma.

In questo workshop saranno affrontate tematiche relative a metodi di real time PCR e di next-generation sequencing, con particolare riferimento a specifiche applicazioni in ambito di ricerca, diagnostico e clinico.

PROGRAMMA

9:00 - 9:30 REGISTRAZIONE

9.30 SALUTO DELLE AUTORITÀ

Prof.ssa Paola Inverardi

Rettore dell'Università degli Studi di L'Aquila

Prof. Edoardo Alesse

Direttore DISCAB, Università degli Studi di L'Aquila

Dott. Carlo Leonetti

Presidente dell'AICC

I SESSIONE

"REAL TIME EVOLUTION"

Moderatori: Francesca Zazzeroni, Nadia Rucci

10:00 TRADITIONAL APPROACHES
TO REAL TIME PCR

Christian Rinaldi (*Life Technologies*)

11:00 CROSS-TALK BETWEEN TGF-B1/TBRII
AND ErbBs RECEPTOR IN HUMAN
THYROID TUMORS

Giovina Vianale (*DSSC, Università degli
Studi "G. d'Annunzio" di Chieti-Pescara*)

11:20 IL23/Th17 PATHWAY IN CUTANEOUS
INFLAMMATORY AND NEOPLASTIC
DISORDERS

Cristina Pellegrini (*DISCAB, Università
degli Studi di L'Aquila*)

11:40 MiRNA PROFILING
IN HIGH-FAT DIET-INDUCED
HEPATOGENESIS

Alessandra Tessitore (*DISCAB, Università
degli Studi di L'Aquila*)

PROGRAMMA

12:00 - 12:15 COFFEE BREAK

12:15 SINGLE CELL AND DIGITAL PCR
Luigi Da Prato (*Life Technologies*)

13:30-14:15 LUNCH

II SESSIONE

"NEXT GENERATION SEQUENCING"

Moderatori: Mariagrazia Perilli, Adriano Angelucci

14:30 THE REVOLUTION IN THE REVOLUTION:
ION TORRENT AND ION PROTON
Raimo Tanzi (*Life Technologies*)

16:15 - 16:30 COFFEE BREAK

16:30 THE WHOLE-GENOME BASED APPROACH
AS THE HIGHEST RESOLUTION METHOD
FOR BRUCELLA GENOTYPING

Massimo Ancora (*Istituto Zooprofilattico
Sperimentale dell'Abruzzo e del Molise
"G. Caporale", Teramo*)

17:00 PRECISION MOLECULAR DIAGNOSTICS
TOWARD PERSONALIZED CANCER
TREATMENT AND PREVENTION

Enrico Ricevuto (*DISCAB, Università
degli Studi di L'Aquila*)

17:30 *Discussione e Conclusioni*